

细胞遗传质量鉴定检测

Cell Line Authentication Service

STR 基因型检测报告

检测单位：睿必特生物科技（上海）有限公司

检品名称：细胞系

报告日期：2022-06-27



报告说明

1. 本报告只对送检的来样负责。
2. 检验报告上的检验结果和检验单位名称，未经同意不得用于广告、评优及商业宣传。
3. 对本报告有异议，请于收到报告之日起十五日内以书面方式提出，逾期不予受理。
4. 对纸质检验报告涂改、增删，或未加盖检验单位印章的复印件均无效。



样品信息

样品编号：

客户样本编号	公司编号
SW1990	20220620-08

样品数量：1

样品性状：细胞系

检测项目：STR

检测方法：用Axygen 的基因组抽提试剂盒提取 DNA，采用20-STR 扩增方案扩增，在ABI 3730XL型遗传分析仪上对STR 位点和性别基因Amelogenin 进行检测。



检测结果

(一) 检验基本情况

	多等位基因	匹配细胞系	细胞库	EV值	匹配说明
20220620-08	无	SW 1990 [SW-1990,SW1990]	DSMZ	1.00	完全匹配

样本基因型检验结果

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。
- 本次检测各细胞分型结果良好。

(二) 各样本描述

- 20220620-08: 该株细胞DNA 分型在细胞系检索中找到**完全匹配**的细胞系, DSMZ 数据库显示细胞名为**SW 1990 [SW-1990,SW1990]**, 细胞号对应**CRL-2172**。本次检测在该细胞系中**没有发现多等位基因**。

备注: 待测细胞系与收录于ATCC,DSMZ,JCRB 和 RIKEN数据库的细胞系STR数据进行比对, 未收录于以上细胞库的细胞系将无法匹配。

EV	Cell Mo.	Cell na	Locus ma										Fige
			D5S818	D18S317	D7S820	18S9	VWA	TPO1	M	TPD9	CSTIIa		
L0036/260	CRL-2172	S7186019-1980,57898)	12.13	第, 12	9, 10	13, 13	17, 17	9, 3, 1, 3	. X	1, 9	10, 12		
0.78628/263	393	L0-51	12.18	12, 12	地11	13, 13	17, 17	9, 8, 9, 3	X, Y	1L, 1L	10, 12		
0.731287/360	CRL-7803	H 97, 5k	12.13	8, 12	10, 10	13, 13	16, 17	7, 8, 3	3, X	8, 9	11, 12		
0.2(26/26)	669	IRC1-52-154	11.12	9, 12	9, 10	13, 13	17, 17	7, 7	第, 1	1, 9	10, 12		



(三) 样本分型结果

细胞20220620-08的STR位点和Amelogenin位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞STR信息			细胞库细胞STR信息		
	送检细胞名: SW1990			细胞库细胞名: SW 1990 [SW-1990, SW1990]		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
D5S818	12	13		12	13	
D13S317	8	12		8	12	
D7S820	9	10		9	10	
D16S539	13	13		13	13	
VWA	17	17		17	17	
TH01	9.3	9.3		9.3	9.3	
AMEL	X	X		X	X	
TPOX	8	9		8	9	
CSF1PO	10	12		10	12	
D12S391	17	17				
FGA	26	26				
D2S1338	23	23				
D21S11	31	31				
D18S51	13	13				
D8S1179	11	14				
D3S1358	16	16				
D6S1043	11	19				
PENTAE	5	7				
D19S433	13	15				
PENTAD	11	11				



其他说明

(一) 分型方案及位点分布

	方案1	方案2	方案3	方案4
1	TH01	TPOX	D3S1358	AMEL
2	D12S391	VWA	D13S317	D5S818
3	D7S820	D8S1179	D6S1043	D2S1338
4	CSF1PO	PENTAD	D16S539	D21S11
5	FGA		D19S433	D18S51
6	PENTAE			

实验方案及位点

(二) STR 数据库比对

本公司采用DSMZ tools 进行细胞系比对，其中包含来自于ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN 数据库的2455个细胞系STR数据。如果待检测细胞未收录于以上细胞库或这是自行建立的新细胞系将无法进行比对，用户需根据细胞分型结果自行与其他数据库进行比对。

主要实验人员：张佳男

复核人：龚礼瑾

负责人：陈轶群







